
CURSO

ESTADÍSTICA

APLICADA CON R

(5ª Edición)

Organizado por:

Facultad de Ciencias de la

Universidad Autónoma de Madrid

MADRID, de Septiembre a Diciembre de 2019

CURSO DE FORMACIÓN CONTINUA: ESTADÍSTICA APLICADA CON R

PRESENTACIÓN

Los **departamentos de Matemáticas y Ecología** de la **Facultad de Ciencias** de la **Universidad Autónoma de Madrid** organizan conjuntamente un **programa de formación continua en Estadística Aplicada con el software R**, en colaboración con los **departamentos de Bioestadística de GEICAM**, y del **Instituto IMDEA Alimentación**. El programa está compuesto por diferentes módulos que pueden ser cursados en su totalidad o separadamente, dependiendo de los diferentes intereses y conocimientos de los alumnos.

En este programa se han reunido una gran variedad de técnicas estadísticas que han sido seleccionadas por su importancia en el **análisis de datos moderno**. Comprende un amplio abanico de técnicas, desde las más sencillas, como las herramientas descriptivas de análisis de datos o inferencia básica, hasta **métodos más complejos y especializados**, como los modelos de regresión (lineales, generalizados, aditivos y mixtos), el análisis multivariante, el análisis de supervivencia, las técnicas supervisadas para la construcción de modelos predictivos usadas habitualmente en minería de datos (data mining) y el deep learning. Se han **organizado en módulos** que puedan resultar de interés a determinados colectivos profesionales, por eso algunos temas aparecen repetidos parcialmente en varios módulos, aunque son tratados desde distintos puntos de vista prácticos en cada uno de ellos, de tal forma que el alumno puede asistir a los 6 módulos que comprende el programa completo o bien seleccionar aquellos que mejor se adapten a sus intereses.

R se está convirtiendo en el **software estadístico de referencia** en la mayoría de los centros de investigación y universidades, y su uso se está extendiendo también dentro de la empresa privada. **R es software libre, gratuito** y está incorporando más rápidamente que otros programas las **técnicas avanzadas de análisis de datos** que se están desarrollando en los últimos años. Otro aspecto importante que convierte a R en una **herramienta muy potente** es que incorpora un **lenguaje de programación** sencillo y muy flexible, que permite tener un control total sobre el análisis que se está desarrollando.

El módulo 1 incluye los conocimientos básicos del lenguaje R y algunas de las técnicas básicas de estadística, y debería ser cursado por todos los alumnos que no tengan conocimientos de dicho lenguaje. El resto de módulos pueden ser cursados una vez que se ha asistido al de introducción, o también por alumnos que tengan ya conocimientos de R y de estadística básica.

DIRIGIDO A

Este programa de formación continua va dirigido a **profesionales** de distintos ámbitos, **investigadores, profesores y alumnos** (no necesariamente de la UAM) que quieran conocer el software R y su aplicación práctica con diferentes técnicas estadísticas

ESTRUCTURA

Módulos	Fechas	Núm. Horas	Precio	Créditos
1. Introducción a R (*)	12 y 13 Septiembre 2019	10	100€	1
1. Introducción a R (*)	19 y 20 Septiembre 2019	10	100€	1
2. Métodos de Regresión y Análisis Multivariante con R	2, 3 y 4 Octubre 2019	15	150€	1
3. Métodos de Regresión Avanzados para la Investigación en Ciencias Naturales con R	15, 16 y 17 Octubre 2019	20	200€	2
4. Estadística Aplicada a la Investigación Biomédica con R	28, 29 y 30 Octubre 2019	20	200€	2
5. Modelos Mixtos / Jerárquicos / Multinivel con R	5, 6 y 7 Noviembre 2019	20	200€	2
6. Visualización Interactiva de Datos con el paquete Shiny	12 y 13 Noviembre 2019	10	100€	1
7. Técnicas Estadísticas de Data Mining con R	25, 26, 27, 28 y 29 de Noviembre 2019	30	300€	3
8. Deep Learning con R	11, 12 y 13 de Diciembre 2019	20	200€	2

El coste del **curso completo** de 8 módulos es de 1450€

(*) Debido al gran número de alumnos interesados en el módulo de “**Introducción a R**”, en esta edición se va a impartir el **mismo curso en 2 fechas independientes**. Por lo tanto, los alumnos interesados solo **deberán matricularse en una de las 2 opciones**: los días 12 y 13 de septiembre, o los días 19 y 20 de septiembre

CRÉDITOS

El número máximo de créditos convalidables será de 3

DIRECTORES

- José Ramón Berrendero Díaz (Profesor Titular en el Dpto. de Matemáticas de la UAM)
- Javier Seoane Pinilla (Profesor Titular en el Dpto. de Ecología de la UAM)
- Jesús Herranz Valera (Bioestadístico en GEICAM)

PERSONAL DOCENTE

- Amparo Baíllo Moreno (Profesora Titular en el Dpto. de Matemáticas de la UAM)
- José Ramón Berrendero Díaz (Profesor Titular en el Dpto. de Matemáticas de la UAM)
- Jesús Herranz Valera (Bioestadístico en GEICAM)
- Carlos Pérez Carmona (Investigador postdoctoral, University of Tartu, Estonia)
- Javier Seoane Pinilla (Profesor Titular en el Dpto. de Ecología de la UAM)
- Gonzalo Colmenarejo (Bioestadístico en Instituto IMDEA Alimentación)
- Carlos Arias Alcaide (Graduado en Matemáticas por la UAM)

INSCRIPCIÓN Y MATRICULACIÓN

Las **inscripciones** en los diferentes módulos se realizarán en la página web de la **Fundación de la Universidad Autónoma de Madrid**:

<http://matriculas.fuam.es/matriculauam/Convocatorias.action>

Para cada módulo, los **plazos de matriculación** comenzarán el día 22 de abril de 2019 y se extenderán hasta 3 días antes al comienzo del módulo.

Una vez realizada la matriculación a través de la página web de la UAM, se deberá realizar **el pago** de la misma en un **plazo inferior a 15 días**. Si en ese plazo no se ha ingresado dicho importe, se procederá a la **anulación de la matrícula**.

Las **plazas** en cada módulo se adjudicarán por **orden de ingreso** del importe de la matrícula.

Los alumnos interesados en el curso completo, tendrán que realizar la matrícula en cada uno de los módulos por separado.

LUGAR DE CELEBRACIÓN

Todos los **módulos** se impartirán en la **Facultad de Ciencias de la UAM**.

Es **obligatorio** que los participantes traigan su propio **ordenador portátil**.

Las **aulas** donde se impartirán las clases se comunicarán a los alumnos días antes de comenzar cada módulo.

BECAS

Entre los alumnos matriculados en cada módulo se concederán **dos becas** que cubrirán el total del módulo correspondiente.

Los **criterios de selección** de becarios son:

1. Estar desempleado (40%)
2. Situación socio-económica (30%)
3. Expediente académico (30%)

Las **solicitudes de las becas** se harán por correo electrónico dirigido al personal docente del módulo. En el correo se proporcionará información sobre los puntos anteriores, indicando la situación laboral del alumno: desempleado, personal fijo, contratado eventual o becario. En caso necesario, se podrá solicitar una declaración jurada.

La **asignación de las becas** se realizará después de finalizada la matrícula de cada módulo, y el importe de la matrícula será devuelto posteriormente a los alumnos que hayan sido becados.

El profesorado del curso decidirá en cada módulo si en lugar de conceder 2 becas, se conceden 4 **medias becas**, con la devolución de la **mitad del importe** de la matrícula a cada uno de los alumnos becados.

El profesorado del curso dará **prioridad** en cada módulo a los **alumnos que no hayan sido becados** en módulos anteriores.

INFORMACIÓN ADICIONAL

Este curso forma parte de los Cursos de Formación Continua organizados por la Fundación de la Universidad Autónoma de Madrid, FUAM, y se puede consultar en: <http://formacioncontinua.uam.es>

MÓDULO 1: INTRODUCCIÓN A R

PRESENTACIÓN Y OBJETIVOS

El objetivo de este módulo es proporcionar una introducción a R para alumnos que no han tenido contacto previo con el programa. Además, se aprovechará esta introducción para ilustrar algunas nociones básicas de descripción de datos e inferencia estadística.

Se tratarán las propiedades de los principales tipos de objetos en R, algunas herramientas de representación gráfica y se estudiarán algunos ejemplos de programación de funciones sencillas. Finalmente, se introducirán algunas herramientas que permiten usar R conjuntamente con editores de texto como Word o Latex, lo que facilita la reproducción y presentación de los resultados obtenidos.

INSCRIPCIÓN Y DATOS PRÁCTICOS

MÓDULO	Introducción a R
Docentes	Amparo Baillo (Dpto. Matemáticas, UAM) amparo.baillo@uam.es y José Ramón Berrendero (Dpto. Matemáticas, UAM), joser.berrendero@uam.es
Fechas del Curso (*)	Opción A: 12 y 13 de Septiembre de 2019. Horario: 14:30-19:45 Opción B: 19 y 20 de Septiembre de 2019. Horario: 14:30-19:45
Inscripciones	Hasta el 9/Sept/2019 o hasta el 16/Sept/2019 según la opción elegida, en http://matriculas.fuam.es/matriculauam/Convocatorias.action
Lugar de celebración	Universidad Autónoma de Madrid Ctra. Madrid-Colmenar Viejo (M-607), km 15 Facultad de Ciencias (C/ Francisco Tomás y Valiente, 7) (por confirmar) Madrid http://www.uam.es
Nº Plazas	16 plazas. Mínimo de 10 asistentes para impartirse el curso
Precio	100€
Créditos	1 ECTS
Requisitos previos	No se requieren conocimientos previos de R. Para el máximo aprovechamiento del módulo, es conveniente tener conocimientos elementales de estadística (en caso de duda contacten con los profesores del módulo)
Observaciones	Los conceptos teóricos, datos y código para el seguimiento del módulo se harán accesibles en documentos en red. Es obligatorio que los participantes traigan su propio ordenador portátil , y que se haya instalado el software R previamente

(*) Debido al gran número de alumnos interesados en el módulo de “**Introducción a R**”, en esta edición se va a impartir el **mismo curso en 2 fechas independientes**. Por lo tanto, los alumnos interesados solo **deberán matricularse en una de las 2 opciones**: los días 12 y 13 de septiembre, o los días 19 y 20 de septiembre

MÓDULO 1: INTRODUCCIÓN A R

DESCRIPCIÓN DETALLADA

El módulo está dividido en 6 sesiones, con una duración variable de entre 1 y 2 horas, dependiendo de cada tema.

En cada sesión se explican los principales conceptos, tanto estadísticos como relativos al funcionamiento del programa, y se ilustran de manera práctica con ejemplos realizados con R. Finalmente, se proponen ejercicios a los alumnos para que puedan practicar los conocimientos adquiridos.

1. Características básicas del programa
2. Principales tipos de objetos
3. Ejemplos sencillos de simulación e inferencia estadística
4. Gráficos
5. Introducción a la programación en R
6. Elaboración de informes dinámicos

MÓDULO 2: MÉTODOS DE REGRESIÓN Y ANÁLISIS MULTIVARIANTE CON R

PRESENTACIÓN Y OBJETIVOS

El objetivo de la primera parte de este módulo es que los alumnos adquieran los conocimientos necesarios para aplicar con R diversos métodos de regresión que permiten explicar una variable respuesta de interés en función de un conjunto de variables explicativas. La segunda parte de este módulo tiene por objetivo que los alumnos conozcan los fundamentos y las aplicaciones de las técnicas más utilizadas de análisis multivariante y sepan cómo aplicarlas con R. Estas técnicas no solo tienen interés por sí mismas sino que además son los elementos en los que se basan técnicas más complejas para analizar datos de alta dimensión.

INSCRIPCIÓN Y DATOS PRÁCTICOS

MÓDULO	Métodos de Regresión y Análisis Multivariante con R
Docentes	Amparo Baíllo (Dpto. Matemáticas, UAM) amparo.baillou@uam.es y José Ramón Berrendero (Dpto. Matemáticas, UAM), joser.berrendero@uam.es
Fechas del Curso	2, 3 y 4 de Octubre de 2019. Horario: 14:30-19:45
Inscripciones	Hasta el 29/Sept/2019 en http://matriculas.fuam.es/matriculauam/Convocatorias.action
Lugar de celebración	Universidad Autónoma de Madrid Ctra. Madrid-Colmenar Viejo (M-607), km 15 Facultad de Ciencias (C/ Francisco Tomás y Valiente, 7) (por confirmar) Madrid http://www.uam.es
Nº Plazas	16 plazas. Mínimo de 10 asistentes para impartirse el curso
Precio	150€
Créditos	1 ECTS
Requisitos previos	Para el máximo aprovechamiento del módulo se requieren conocimientos básicos de R y de inferencia estadística (en caso de duda contacten con los profesores del módulo)
Observaciones	Los conceptos teóricos, datos y código para el seguimiento del módulo se harán accesibles en documentos en red. Es obligatorio que los participantes traigan su propio ordenador portátil , y que se haya instalado el software R previamente

MÓDULO 2: MÉTODOS DE REGRESIÓN Y ANÁLISIS MULTIVARIANTE CON R

DESCRIPCIÓN DETALLADA

El módulo está dividido en 3 sesiones de 5 horas.

En cada sesión se explican los principales conceptos, tanto estadísticos como relativos al funcionamiento del programa, y se ilustran de manera práctica con ejemplos realizados con R. Finalmente, se proponen ejercicios a los alumnos para que puedan practicar los conocimientos adquiridos.

Sesión 1

1. Modelos de regresión
2. Selección de variables
3. Diagnóstico del modelo y tratamiento de datos atípicos

Sesiones 2 y 3

1. Descripción de datos multivariantes
2. Distribuciones multivariantes
3. Reducción de la dimensión
4. Clasificación no supervisada: análisis de conglomerados
5. Clasificación supervisada: análisis discriminante

MÓDULO 3: MÉTODOS DE REGRESIÓN AVANZADOS PARA LA INVESTIGACIÓN EN CIENCIAS NATURALES CON R

PRESENTACIÓN Y OBJETIVOS

El objetivo principal de este módulo es proporcionar a los alumnos los conocimientos de las técnicas estadísticas que extienden el análisis de regresión a las situaciones encontradas más frecuentemente en los campos de estudio de las ciencias naturales.

El módulo parte de la exposición de los Modelos Lineales Generalizados (**GLM**), incidiendo en las regresiones de Poisson, logística, binomial y binomial negativa, para continuar con sus extensiones a los casos en los que aparece un gran número de ceros, frecuentes en los análisis de conteos de organismos (**modelos inflados por ceros**). Finalmente, se abordarán las extensiones no lineales (Modelos Aditivos Generalizados, **GAM**). Los modelos se explican desde un punto de vista práctico y el módulo incluye la consideración de estrategias para la construcción de modelos, la interpretación de interacciones y la inferencia multimodelo.

INSCRIPCIÓN Y DATOS PRÁCTICOS

MÓDULO	Métodos de Regresión Avanzados para la Investigación en Ciencias Naturales con R
Docentes	Javier Seoane (Dpto Ecología, UAM) javier.seoane@uam.es Carlos Pérez Carmona (University of Tartu), perezcarmonacarlos@gmail.com
Fechas del Curso	15, 16 y 17 de Octubre de 2019. Horario: 9:00 – 18:00 el día 15, y de 9:00 – 16:00 los días 16 y 17
Inscripciones	Hasta el 12/Oct/2019 en http://matriculas.fuam.es/matriculauam/Convocatorias.action
Lugar de celebración	Universidad Autónoma de Madrid Ctra. Madrid-Colmenar Viejo (M-607), km 15 Facultad de Ciencias (C/ Francisco Tomás y Valiente, 7) (por confirmar) Madrid http://www.uam.es
Nº Plazas	16 plazas. Mínimo de 10 asistentes para impartirse el curso
Precio	200€
Créditos	2 ECTS
Requisitos previos	Para el máximo aprovechamiento del módulo, se requiere conocer al menos los rudimentos del lenguaje R y la regresión lineal (en caso de duda contacten con los profesores del módulo)
Observaciones	Los conceptos teóricos, datos y código para el seguimiento del módulo se harán accesibles en documentos en red. Es obligatorio que los participantes traigan su propio ordenador portátil , y que se haya instalado el software R previamente

MÓDULO 3: MÉTODOS DE REGRESIÓN AVANZADOS PARA LA INVESTIGACIÓN EN CIENCIAS NATURALES CON R

DESCRIPCIÓN DETALLADA

El módulo está dividido en 4 sesiones temáticas. En cada sesión se explican los conceptos estadísticos teóricos ilustrados desde un punto de vista práctico con ejemplos realizados con R, explicando los paquetes y funcionalidades más importantes del software para cada técnica. Además, se irán proponiendo ejercicios cortos a los alumnos para que se practiquen los conocimientos adquiridos.

1. Modelos lineales generalizados (GLM): regresión de Poisson y binomial negativa (4 horas)
2. Modelos lineales generalizados (GLM): regresiones logística y binomial (4 horas)
3. Regresión de Poisson y Binomial Negativa infladas por ceros (6 horas)
4. Ajustes locales y modelos aditivos generalizados (GAM) (6 horas)

MÓDULO 4: ESTADÍSTICA APLICADA A LA INVESTIGACIÓN BIOMÉDICA CON R

PRESENTACIÓN Y OBJETIVOS

El objetivo principal de este módulo es proporcionar a los alumnos los conocimientos de las técnicas estadísticas más utilizadas dentro del campo de las ciencias de la salud, de la epidemiología y de la investigación biomédica en general.

El módulo incluye las técnicas estadísticas más sencillas para analizar **datos clínicos y epidemiológicos**, como son el análisis descriptivo de datos y la inferencia básica, pero la parte más importante está dedicada a los modelos de regresión. Se ha dado especial importancia a las técnicas más usadas en la investigación biomédica, que son la **regresión logística** y la **regresión de Cox**, para analizar **datos de supervivencia**. Los modelos de regresión se explican desde un punto de vista práctico, y se han incluido temas avanzados como: el tratamiento de las **variables de confusión**, el análisis e interpretación de **interacciones**, las estrategias para la **construcción de modelos** de regresión multivariantes y el análisis de la **capacidad predictiva** de los modelos.

INSCRIPCIÓN Y DATOS PRÁCTICOS

MÓDULO	Estadística Aplicada a la Investigación Biomédica con R
Docentes	Jesús Herranz Valera (Bioestadístico de GEICAM) jherranz@geicam.org
Fechas del Curso	28, 29 y 30 de Octubre de 2019. Horario: 9:00 – 18:00
Inscripciones	Hasta el 25/Oct/2019 en http://matriculas.fuam.es/matriculauam/Convocatorias.action
Lugar de celebración	Universidad Autónoma de Madrid Ctra. Madrid-Colmenar Viejo (M-607), km 15 Facultad de Ciencias (C/ Francisco Tomás y Valiente, 7) (por confirmar) Madrid http://www.uam.es
Nº Plazas	16 plazas. Mínimo de 10 asistentes para impartirse el curso
Precio	200€
Créditos	2 ECTS
Requisitos previos	Para el máximo aprovechamiento del módulo se requieren conocimientos básicos de R, y conocimientos básicos de inferencia estadística (en caso de duda contacten con los profesores del módulo)
Observaciones	Se entregará un documento con todas las diapositivas del curso y todos los scripts y ficheros de datos Es obligatorio que los participantes traigan su propio ordenador portátil , y que se haya instalado el software R previamente

MÓDULO 4: ESTADÍSTICA APLICADA A LA INVESTIGACIÓN BIOMÉDICA CON R

DESCRIPCIÓN DETALLADA

El módulo está dividido en 18 sesiones, con una duración aproximada de 1 hora cada una.

En cada sesión se explican los conceptos estadísticos teóricos ilustrados desde un punto de vista práctico con ejemplos realizados con R, explicando los paquetes y funcionalidades más importantes del software para cada técnica. Finalmente, se proponen ejercicios a los alumnos para que puedan practicar los conocimientos adquiridos.

1. Nociones básicas de R. Variables y objetos de R. Manejo de datos. Ficheros. Gráficos
2. Estadística descriptiva y funciones de probabilidad
3. Programación y funciones en R
4. Análisis de tablas de contingencia
5. Inferencia básica con variables continuas
6. Análisis de la varianza
7. Análisis de correlación
8. Regresión lineal simple
9. Regresión lineal múltiple
10. Regresión logística I
11. Regresión logística II
12. Variables de confusión e interacciones
13. Construcción de un modelo de regresión logística
14. Análisis de supervivencia
15. Regresión de Cox I
16. Regresión de Cox II
17. Modelos predictivos. Análisis de curvas ROC
18. Análisis de Medidas Repetidas

MÓDULO 5: MODELOS MIXTOS / JERÁRQUICOS / MULTINIVEL CON R

PRESENTACIÓN Y OBJETIVOS

En este módulo se presentan los **modelos** de regresión **mixtos** (también conocidos como jerárquicos o multinivel), que incluyen factores aleatorios, para las situaciones en las que las unidades de análisis se encuentran agregadas en grupos y las respuestas que se observan en ellas están correlacionadas. Esto sucede por ejemplo, al estudiar distintos barrios dentro de varias ciudades o al preguntarse por alumnos dentro de clases o especies biológicas dentro de familias.

El módulo se desarrollará de forma muy práctica y se centrará en los modelos mixtos lineales, aunque también se expondrá su extensión a modelos generalizados (**GLMM**) y aditivos (**GAMM**). El módulo incluye las estrategias de construcción y diagnóstico de modelos.

INSCRIPCIÓN Y DATOS PRÁCTICOS

MÓDULO	Modelos Mixtos / Jerárquicos / Multinivel con R
Docentes	Javier Seoane (Dpto Ecología, UAM) javier.seoane@uam.es
Fechas del Curso	5, 6 y 7 de Noviembre de 2019. Horario: 9:00 – 17:00 los días 5 y 6, y de 9:00 – 16:00 el día 7
Inscripciones	Hasta el 2/Nov/2019 en http://matriculas.fuam.es/matriculauam/Convocatorias.action
Lugar de celebración	Universidad Autónoma de Madrid Ctra. Madrid-Colmenar Viejo (M-607), km 15 Facultad de Ciencias (C/ Francisco Tomás y Valiente, 7) (por confirmar) Madrid http://www.uam.es
Nº Plazas	16 plazas. Mínimo de 10 asistentes para impartirse el curso
Precio	200€
Créditos	2 ECTS
Requisitos previos	Para el máximo aprovechamiento del módulo, se requiere conocer al menos los rudimentos del lenguaje R y la regresión lineal (en caso de duda contacten con los profesores del módulo)
Observaciones	Los conceptos teóricos, datos y código para el seguimiento del módulo se harán accesibles en documentos en red. Es obligatorio que los participantes traigan su propio ordenador portátil , y que se haya instalado el software R previamente

MÓDULO 5: MODELOS MIXTOS / JERÁRQUICOS / MULTINIVEL CON R

DESCRIPCIÓN DETALLADA

El módulo está dividido en 2 sesiones temáticas principales y una tercera, más breve, que extiende el uso de los modelos mixtos y combina técnicas de GLM y GAM abordadas en módulos anteriores del curso. En cada sesión se explican los conceptos estadísticos teóricos ilustrados desde un punto de vista práctico con ejemplos realizados con R, explicando los paquetes y funcionalidades más importantes del software para cada técnica. Además, se irán proponiendo ejercicios cortos a los alumnos para que se practiquen los conocimientos adquiridos.

1. Modelos mixtos lineales para datos encajados: incluye construcción y diagnóstico de modelos (10 horas)
2. Modelos mixtos lineales para otros diseños muestrales (factores cruzados y medidas repetidas) (8 horas)
3. Modelos mixtos generalizados (GLMM) y generalizados aditivos (GAMM) (2 horas)

MÓDULO 6: VISUALIZACIÓN INTERACTIVA DE DATOS CON EL PAQUETE SHINY

PRESENTACIÓN Y OBJETIVOS

Durante la realización de análisis estadísticos, la cantidad de información que generamos y tenemos que manejar puede ser enorme. A la hora de presentar dicha información, si no se usa el método adecuado, la tarea puede ser tediosa. Este problema ha dado lugar a un nuevo campo de trabajo llamado Visualización de Datos (Data Visualization).

El paquete Shiny nos adentra a los usuarios de R en la Visualización de Datos, facilitándonos la creación de aplicaciones interactivas. En estas aplicaciones podemos mostrar de manera ordenada gráficos, resúmenes de información, datos, etc., disponiendo de menús, casillas para marcar, desplegados, deslizadores de valores, entre otras opciones.

El objetivo principal de este módulo es que los asistentes aprendan a reproducir, crear y configurar sus propias aplicaciones interactivas con el paquete Shiny de R, desarrollando un pensamiento razonado y creativo.

INSCRIPCIÓN Y DATOS PRÁCTICOS

MÓDULO	Visualización Interactiva de Datos con el paquete Shiny
Docentes	Carlos Arias Alcaide (Graduado en Matemáticas por la UAM) carlos_arias95@hotmail.com
Fechas del Curso	12 y 13 de Noviembre de 2019. Horario: 16:00 – 21:00
Inscripciones	Hasta el 9/Nov/2019 en http://matriculas.fuam.es/matriculauam/Convocatorias.action
Lugar de celebración	Universidad Autónoma de Madrid Ctra. Madrid-Colmenar Viejo (M-607), km 15 Facultad de Ciencias (C/ Francisco Tomás y Valiente, 7) (por confirmar) Madrid http://www.uam.es
Nº Plazas	16 plazas. Mínimo de 10 asistentes para impartirse el curso
Precio	100€
Créditos	1 ECTS
Requisitos previos	Son necesarias nociones básicas de R y RStudio. (en caso de duda contacten con los profesores del módulo)
Observaciones	Los asistentes contarán con unos apuntes para que puedan seguir las explicaciones, repasar los contenidos y consultar posteriormente tras finalizar el curso. Es obligatorio que los participantes traigan su propio ordenador portátil con el software R y RStudio instalados previamente.

MÓDULO 6: VISUALIZACIÓN INTERACTIVA DE DATOS CON EL PAQUETE SHINY

DESCRIPCIÓN DETALLADA

El módulo está dividido en 2 sesiones de 5 horas cada una en las que se alternan explicaciones teóricas con la aplicación guiada de las mismas en un caso real. En la sesión 1 se explicarán los objetivos del curso, la terminología empleada y la estructura de la aplicación, haciendo hincapié en la parte visible (interface). En la sesión 2, se continuará con la estructura de la aplicación, pero esta vez centrándose en la parte no visible (algoritmo de cálculo), y se explicarán dos de las posibles formas que existen para compartir nuestras aplicaciones con otros usuarios.

1. Objetivos
2. Términos
3. Estructura de la aplicación: Interface
4. Estructura de la aplicación: Algoritmo de cálculo
5. Compartir la aplicación con otros usuarios

MÓDULO 7: TÉCNICAS ESTADÍSTICAS DE DATA MINING CON R

PRESENTACIÓN Y OBJETIVOS

En este módulo se han reunido una serie de técnicas procedentes de distintos campos como el **análisis multivariante, el aprendizaje estadístico, la inteligencia artificial y técnicas de machine learning**. La mayoría de las técnicas presentadas son técnicas predictivas, cuyo objetivo principal es desarrollar un modelo matemático que permita obtener predicciones en una variable de interés en observaciones no incluidas en la construcción del modelo. Se han seleccionado las **técnicas predictivas más importantes** y cuyo uso está más extendido: regresión lineal y logística, métodos penalizados (LASSO), métodos basados en árboles (CART), support vector machines (SVM), redes neuronales, random forest.

El módulo incluye los aspectos más importantes para la **construcción de modelos predictivos**: pre-procesamiento y descripción básica de los datos, **optimización de los parámetros** involucrados en cada una de las técnicas, **evaluación de la capacidad predictiva** de los modelos **mediante técnicas de remuestreo (validación cruzada y bootstrapping)**, selección de variables que van a formar parte del modelo, comportamiento de cada técnica en **problemas de alta dimensión**, etc.

INSCRIPCIÓN Y DATOS PRÁCTICOS

MÓDULO	Técnicas Estadísticas de Data Mining con R
Docentes	Jesús Herranz Valera (Bioestadístico de GEICAM) jherranz@geicam.org
Fechas del Curso	25, 26, 27, 28 y 29 de Noviembre de 2019. Horario: 9:00 – 18:00 los días 25, 26, 27 y 28, y de 9:00 – 14:00 el día 29
Inscripciones	Hasta el 22/Nov/2019 en http://matriculas.fuam.es/matriculauam/Convocatorias.action
Lugar de celebración	Universidad Autónoma de Madrid Ctra. Madrid-Colmenar Viejo (M-607), km 15 Facultad de Ciencias (C/ Francisco Tomás y Valiente, 7) (por confirmar) Madrid http://www.uam.es
Nº Plazas	16 plazas. Mínimo de 10 asistentes para impartirse el curso
Precio	300€
Créditos	3 ECTS
Requisitos previos	Para el máximo aprovechamiento del módulo, son necesarios conocimientos de R y de Estadística, incluido modelos de regresión (en caso de duda contacten con los profesores del módulo)
Observaciones	Se entregará un documento con todas las diapositivas del curso y todos los scripts y ficheros de datos Es obligatorio que los participantes traigan su propio ordenador portátil , y que se haya instalado el software R previamente

MÓDULO 7: TÉCNICAS ESTADÍSTICAS DE DATA MINING CON R

DESCRIPCIÓN DETALLADA

El módulo está dividido en 21 sesiones, con una duración variable de entre 1 y 2 horas, dependiendo de la importancia del tema.

En cada sesión se explican los conceptos estadísticos teóricos ilustrados desde un punto de vista práctico con ejemplos realizados con R, explicando los paquetes y funcionalidades más importantes del software para cada técnica. Finalmente, se proponen ejercicios a los alumnos para que puedan practicar los conocimientos adquiridos.

1. Introducción. Data Mining. Aprendizaje Supervisado y No Supervisado. Modelos Predictivos. Clasificación y Regresión
2. Nociones de R. Funciones y programación. Tratamiento de datos
3. Análisis descriptivo. Pre-procesamiento de datos
4. Análisis de Componentes Principales (PCA)
5. Análisis Clúster. Métodos Jerárquicos. K-means
6. Análisis Discriminante Lineal (LDA). Clasificador Naïve Bayes
7. Regresión Logística
8. Medidas de Evaluación de Modelos. Medidas de capacidad predictiva. Curvas ROC
9. Técnicas de Evaluación de Modelos. Validación cruzada. Muestras Bootstrap
10. Regresión Lineal. Métodos de Regresión por pasos
11. Regresión sobre Componentes Principales. Mínimos Cuadrados Parciales (PLS)
12. Métodos de Regresión Penalizados. Ridge Regression. LASSO
13. Métodos basados en Vecindad y Núcleos. k-NN
14. Redes Neuronales (NN)
15. Support Vector Machines (SVM)
16. Árboles de Regresión y Clasificación (CART)
17. Multiclasificadores. Bagging. Boosting
18. Random Forest (RF)
19. Selección de Variables. Filter. Wrapper. Recursive Feature Elimination
20. Caso práctico: Comparación de Modelos Predictivos
21. Caso práctico: Evaluación de la Significación Estadística de un Clasificador mediante Test de Permutaciones

MÓDULO 8: DEEP LEARNING CON R

PRESENTACIÓN Y OBJETIVOS

Este módulo presenta una introducción a los **modelos de Deep Learning** y su programación y análisis mediante **R**. Los modelos de Deep Learning, de reciente aparición y gran actualidad, son una extensión de las redes neuronales que permiten modelar con éxito **datos complejos** como los que están presentes en áreas como **reconocimiento de imágenes, texto, sonido**, etc.

Se pretende que el alumno se familiarice con la teoría y entrenamiento de redes neuronales, en particular resaltando las similitudes y diferencias del Deep Learning con las redes neuronales tradicionales, así como su programación con el paquete **Keras** sobre **TensorFlow**. Se introducirán las arquitecturas más importantes de Deep Learning, como son las **redes convolucionales** y las **redes recurrentes**, así como los **modelos generativos** más importantes (**autoencoders variacionales** y **redes generativas adversarias**). Se modelarán datos de imágenes, texto y series temporales.

INSCRIPCIÓN Y DATOS PRÁCTICOS

MÓDULO	Deep Learning con R
Docentes	Gonzalo Colmenarejo (Bioestadístico de Instituto IMDEA Alimentación) gonzalo.colmenarejo@imdea.org
Fechas del Curso	11, 12 y 13 de Diciembre de 2019. Horario: 9:00 – 18:00
Inscripciones	Hasta el 8/Dic/2019 en http://matriculas.fuam.es/matriculauam/Convocatorias.action
Lugar de celebración	Universidad Autónoma de Madrid Ctra. Madrid-Colmenar Viejo (M-607), km 15 Facultad de Ciencias (C/ Francisco Tomás y Valiente, 7) (por confirmar) Madrid http://www.uam.es
Nº Plazas	16 plazas. Mínimo de 10 asistentes para impartirse el curso
Precio	200€
Créditos	2 ECTS
Requisitos previos	Para el máximo aprovechamiento del módulo, son necesarios conocimientos de R y recomendable conocimientos básicos de Machine Learning (en caso de duda contacten con los profesores del módulo)
Observaciones	Se entregará un documento con todas las diapositivas del curso y todos los scripts y ficheros de datos Es obligatorio que los participantes traigan su propio ordenador portátil , y que se haya instalado el software R previamente

MÓDULO 8: DEEP LEARNING CON R

DESCRIPCIÓN DETALLADA

El módulo se organiza en 5 sesiones de unas 4 horas cada una.

En cada sesión se explican los conceptos estadísticos teóricos ilustrados desde un punto de vista práctico con ejemplos realizados con R, explicando los paquetes y funcionalidades más importantes del software para cada técnica. Además, se irán proponiendo ejercicios cortos a los alumnos para que se practiquen los conocimientos adquiridos.

1. Introducción a las redes neuronales. El paquete Keras.
2. Programación de redes neuronales básicas.
3. Redes neuronales convolucionales.
4. Redes neuronales recurrentes.
5. Modelos generativos.